

演習問題解答 (5-8)

大阪大学蛋白質研究所

くどう たかひろ
工藤 高裕

演習課題5

- PDBjのトップページから、今週の更新情報を調べる。
- 今週新規に追加されたエントリーは何件あるか？
 - いくつか例を眺めてみる。
 - 今週更新されたエントリーは何件あるか？
 - いくつか例を眺めてみて、何度更新されたかを調べる。
 - 「database_PDB_rev」カテゴリをみるとわかる。
 - どこが更新されたかを調べる。
 - 「database_PDB_rev_record」カテゴリをみると(だいたい)わかる。

解答例5

ここをクリック

PDBj
Protein Data Bank Japan

English Japanese simplified Chinese traditional Chinese Korean 過去の講習会 統計情報 ヘルプ FAQ お問い合わせ

トップページ

データ登録 >>
ADIT: PDB Deposition
ADIT-NMR

検索 >>
Search PDB (PDBj Mine)
wwPDB/RDF
Latest Release Search
Sequence-Navigator
Structure-Navigator
SeSAW
Ligand Binding Sites (GIRAF)
EM Navigator
Search NMR Data (BMRB)
Status Search

サービス&ソフトウェア >>
JV: Graphic Viewer
万見 (Yorodumi)
Protein Globe
ASH
MAFFTash
SEALA
NMRToolBox

Structure Prediction >>
CRNPRED
Spanner
SFAS

二次データベース >>
eF-site/eF-seek/eF-surf
ProMolElastic

日本蛋白質構造データバンク (PDBj: Protein Data Bank Japan) は、JST-NBDCと大阪大学の支援を受け、米国RCSB、BMRB、および欧州PDBeと協力して、生体高分子の立体構造データベースを国際的に統一されたPDBアーカイブとして運営するとともに、様々な解析ツールを提供しております。

データ登録

データ登録のご案内 >>

PDB登録 AP Auto Dep Input Tool NMRデータ登録 AP NMR

検索

PDB検索 Mine PDBj
Mine日本語ページについて

PDB IDまたはキーワード
検索

Accession number
Deposition code
Go

詳細条件検索 >>

最新情報

2013/1/3
PDBj が編集処理を行ったPDB登録数が **2万件**に達しました。(詳細...)

2012/12/27
平成24年度第3回データベース講習会 (12月26日開催、産総研主催) における発表内容を掲載しました。

2012/12/25
構造因子ファイルの修正、公開計画について (詳細...)

87279 entries available on 9 Jan., 2013
00:00(UTC) / 09:00(JST)

WORLDWIDE PDB PROTEIN DATA BANK

蛋白質構造百科事典 eProts Encyclopedia of Protein Structures

Protein Globe

DBCLS Database Center for Life Science

Tanpaku.org

NBDC National Bioscience Database Center

解答例5

2013/01/09新規公開は127件

トップページ

データ登録 >>

- ADIT: PDB Deposition
- ADIT-NMR

検索 >>

- Search PDB (PDBj Mine)
- wwPDB/RDF
- Latest Release Search
- Sequence-Navigator
- Structure-Navigator
- SeSAW
- Ligand Binding Sites (GIRAF)
- EM Navigator
- Search NMR Data (BMRB)
- Status Search

サービス&ソフトウェア >>

- JV: Graphic Viewer
- 万見 (Yorodumi)
- Protein Globe
- ASH
- MAFFTash
- SEALA
- NMRToolBox

Structure Prediction >>

- CRNPRED
- Spanner

PDB / EMDB 最新情報

- **PDBエントリ**
 - 新規公開されたエントリ (127) [[IDリスト](#) | [Mineで表示](#)]
 - 更新されたエントリ (190) [[IDリスト](#) | [Mineで表示](#)]
 - 収録エントリ (87279) [[IDリスト](#)]
 - 最新の更新/廃止されたエントリ (1) [[IDリスト](#) | [Mineで表示](#)]
 - 全ての更新/廃止されたエントリ (1909) [[IDリスト](#) | [Mineで表示](#)]
- **構造因子エントリ**
 - 新規公開されたエントリ (117) [[IDリスト](#)]
 - 更新されたエントリ (0) [[IDリスト](#)]
 - 収録エントリ (1143) [[IDリスト](#)]
 - 更新/廃止されたエントリ [最新のIDリスト(1) / 全てのIDリスト(1104)]
- **NMR距離制限情報エントリ**
 - 新規公開されたエントリ (8) [[IDリスト](#)]
 - 更新されたエントリ (0) [[IDリスト](#)]
 - 収録エントリ (7056) [[IDリスト](#)]
 - 更新/廃止されたエントリ [最新のIDリスト(0) / 全てのIDリスト(140)]
- **NMR化学シフト情報エントリ**
 - 新規公開されたエントリ (0) [[IDリスト](#)]
 - 更新されたエントリ (0) [[IDリスト](#)]
 - 収録エントリ (815) [[IDリスト](#)]
 - 更新/廃止されたエントリ [最新のIDリスト(0) / 全てのIDリスト(2)]
- **EMDBエントリ**
 - 新規公開されたマップエントリ (11) [[IDリスト](#) | [EM Navigatorで表示](#)]
 - 更新されたマップエントリ (18) [[IDリスト](#) | [EM Navigatorで表示](#)]
 - 新規公開されたヘッダエントリ (3) [[IDリスト](#) | [EM Navigatorで表示](#)]
 - 収録エントリ (1688) [[IDリスト](#) | [EM Navigatorで表示](#)]

2013/01/09更新は190件

一覧を見るには「Mineで表示」をクリック

87279
entries available
on 9 Jan., 2013
00:00(UTC) / 09:00(JST)

WORLDWIDE
PDB
PROTEIN DATA BANK

蛋白質構造百科事典
eProtS
Encyclopedia of
Protein Structures

**Protein
Globe**

DBCLS
Database Center for Life Science

Tanpaku.org

NBDC

解答例5

トップページ

データ登録 >>

ADIT: PDB Deposition

ADIT-NMR

検索 >>

Search

www.PDBj.org

Language

Sequence Navigator

Structure-Navigator

SeSAW

Ligand Binding Sites (GIRAF)

EM Navigator

Search NMR Data (BMRB)

Status Search

サービス&ソフトウェア >>

J/V: Graphic Viewer

万見 (Yorodumi)

Protein Globe

ASH

MAFFTash

SEALA

NMRToolBox

Structure Prediction >>

CRNPRED

Spanner

SFAS

日本蛋白質構造データバンク (PDBj, Protein Data Bank Japan)は、US-NCBIと大塚ハナ子教授を元々、米国RCSB、EMBL、および欧州PDBと協力して、生体高分子の立体構造データベースを国際的に統一化されたPDBアーカイブとして運営するとともに、様々な解析ツールを提供しております。

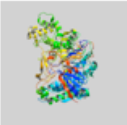
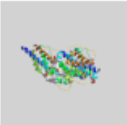
PDBj Mine

日本語ページについて
PDBj Mineについて
更新情報

更新されたエントリー

(PDB-IDをクリックすると、詳細情報をご覧いただけます)

1 - 16/ 190

1	2	3	4	5	6	...	12	次へ	新規公開されたエントリー	PDB ID または キーワード	検索
1k7d		分子名称	:PENICILLIN G ACYLASE ALPHA SUBUNIT/PENICILLIN G ACYLASE BETA SUBUNIT (E.C.3.5.1.11)								
		タイトル	:Penicillin Acylase with Phenyl Proprionic Acid								
		著者	:Hensgens, C.M.H., Keizer, E., Snijder, H.J., Dijkstra, B.W.								
		実験手法	:X-RAY DIFFRACTION								
		登録日	:2001-10-19								
		公開日	:2003-09-02								
		最終更新日	:2013-01-09								
1qvn		分子名称	: Interleukin-2								
		タイトル	: Structure of SP4160 Bound to IL-2 V69A								
		著者	: Thanos, C.D., Delano, W.L., Wells, J.A.								
		実験手法	: X-RAY DIFFRACTION								
		登録日	: 2003-08-28								
		公開日	: 2005-04-05								
		最終更新日	: 2013-01-09								

解答例5

「ダウンロード/画面表示」をクリック

日本語ページについて
PDBj Mineについて
更新情報

検索 >>

- Search PDB (PDBj Mine)
- wwPDB/RDF
- Latest Release Search
- Sequence-Navigator
- Structure-Navigator
- SeSAW
- Ligand Binding Sites (GIRAF)
- EM Navigator
- Search NMR Data (BMRB)
- Status Search

サービス&ソフトウェア >>

- JV: Graphic Viewer
- 万見 (Yorodumi)
- Protein Globe
- ASH
- MAFFTash
- SEALA
- NMRToolBox

Structure Prediction >>

- CRNPRED
- Spanner
- SFAS

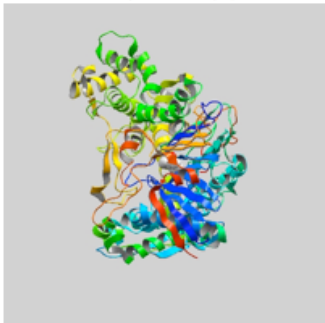
概要 [1k7d]

概要 構造情報 実験情報 機能情報 相同蛋白質

ダウンロード/画面表示 外部データベース

PDB ID または キーワード 検索

<非対称単位>
= <生物学的単位>



他の静止画像を見る

3次元構造ビューア
(JV4 / Jmol) で見る *

エントリーID (PDB ID)	1k7d 配列情報 (FASTA形式) PDBファイルのダウンロード
関連構造のPDB ID	1pnk, 1jx9, 1k5q, 1k5s
分子名称	PENICILLIN G ACYLASE ALPHA SUBUNIT/PENICILLIN G ACYLASE BETA SUBUNIT (E.C.3.5.1.11)
タイトル	Penicillin Acylase with Phenyl Propionic Acid
機能のキーワード	NTN-HYDROLASE FOLD, HELICES, BETA-STRANDS, Phenyl Propionic acid, HYDROLASE
由来する生物種	Escherichia coli
細胞内の位置	[UNP - P06875] Periplasm
ポリマー鎖の合計数	2
分子量の合計	86459.5 (詳細は 構造情報のページ)
著者	Hensgens, C.M.H., Keizer, E., Snijder, H.J., Dijkstra, B.W. (登録日: 2001-10-19, 公開日: 2003-09-02, 最終更新日: 2013-01-09)

解答例5

「PDBML – ヘッダのみ」の「表示」をクリック

日本語ページについて
PDBj Mineについて
更新情報

概要 構造情報 実験情報 機能情報 相同蛋白質 ダウンロード/画面表示 外部データベース

PDB ID または キーワード 検索

	ファイル形式	ファイル名 (ファイルサイズ)	表示
PDB	全ての情報	pdb1k7d.ent.gz (134k)	表示
	全ての情報 (非圧縮)	pdb1k7d.ent (554k)	表示
	ヘッダのみ	pdb1k7d.ent.gz (8k)	表示
mmCIF		1k7d.cif.gz (171k)	表示
PDBML	全ての情報	1k7d.xml.gz (257k)	表示
	ヘッダのみ	1k7d-noatom.xml.gz (38k)	表示
	座標情報のみ	1k7d-extatom.xml.gz (149k)	表示
	PDBMLplus (ヘッダのみ)	1k7d-pdbmlplus.xml.gz (41k)	表示
RDF (ヘッダのみ)		1k7d-noatom.rdf.gz (21k)	表示
		1k7d.pdb1.gz (129k) (A,B)	
生物学的単位 (PDB形式)		*author_and_software_defined_assembly, 2 分子 (dimeric)	表示

解答例5

- 1K7D-noatom -

± PDBx:datablock datablockName="1K7D-noatom"
± schemaLocation="http://pdml.pdb.org/schema/pdbx-v40.xsd
pdbx-v40.xsd">

＋をクリック
→子要素を表示

database_PDB_rev 要素が5つ
→公開＋4回の更新

± <PDBx:database_PDB_matrixCategory>
± <PDBx:database_PDB_revCategory>
± <PDBx:database_PDB_rev num="1">
± <PDBx:database_PDB_rev num="2">
± <PDBx:database_PDB_rev num="3">
± <PDBx:database_PDB_rev num="4">
± <PDBx:database_PDB_rev num="5">
± <PDBx:database_PDB_rev_recordCategory>
± <PDBx:diffractionCategory>
± <PDBx:diffraction_detectorCategory>
± <PDBx:diffraction_radiationCategory>
± <PDBx:diffraction_radiation_wavelengthCategory>
± <PDBx:diffraction_sourceCategory>
± <PDBx:entityCategory>
± <PDBx:entity_keywordsCategory>
± <PDBx:entity_name_comCategory>
± <PDBx:entity_polyCategory>
± <PDBx:entity_poly_seqCategory>
± <PDBx:entity_src_genCategory>
± <PDBx:entryCategory>
± <PDBx:exptlCategory>
± <PDBx:exptl_crystalCategory>
± <PDBx:exptl_crystal_growCategory>
± <PDBx:pdbx_database_relatedCategory>

解答例5

```

± <PDBx:database_PDB_matrixCategory>
± <PDBx:database_PDB_revCategory>
± <PDBx:database_PDB_rev_recordCategory>
  - <PDBx:database_PDB_rev_record rev_num= "2" type= "JRNL">

  - <PDBx:database_PDB_rev_record rev_num= "3" type=
    "COMPND">
  - <PDBx:database_PDB_rev_record rev_num= "4" type=
    "VERSN">
  - <PDBx:database_PDB_rev_record rev_num= "5" type= "TITLE">

  - <PDBx:database_PDB_rev_record rev_num= "5" type=
    "VERSN">
± <PDBx:diffractionCategory>
± <PDBx:diffraction_detectorCategory>
± <PDBx:diffraction_radiationCategory>
± <PDBx:diffraction_radiation_wavelengthCategory>
± <PDBx:diffraction_sourceCategory>
± <PDBx:entityCategory>

```

database_PDB_rev_record
1回目(rev_num=2):JRNL(文献情報)

演習課題6

詳細検索 (Advanced Search) を用いて以下のことを調べる。

- 「公開日」(Release date) が2000年1月1日以降のエントリーは何件あるか？
- 「公開日」が1999年12月31日以前のエントリーは何件あるか？

解答例6

詳細検索ページに移動

PDBj Mine
トップ

The screenshot shows the PDBj Mine homepage with various search options. Red arrows highlight the navigation path:

- From the 'PDB Mine' logo in the center, an arrow points to the '詳細検索' (Detailed Search) link in the right sidebar.
- From the '詳細検索' link, an arrow points to the '詳細検索' page, which is shown on the right side of the image.
- Another arrow points from the '詳細条件検索' link in the left sidebar to the '詳細検索' page.

The '詳細検索' page includes fields for PDB ID, keywords, and various filters like '公開日' (Release Date), '登録日' (Registration Date), and '文獻情報' (Literature Information).

解答例6

公開日の検索方法

検索条件入力欄の「公開日」の「以降:」に「1月1日2000年」と入力し、「検索」をクリックします。



解答例6

データ登録 >>
ADIT: PDB Deposition
ADIT-NMR

検索 >>
Search PDB (PDBj Mine)
wwwPDB.org
Latest Release
Sequence-Navigator
Structure-Navigator
SeSAW
Ligand Binding Sites (GIRAF)
EM Navigator
Search NMR Data (BMRB)
Status Search

サービス&ソフトウェア >>
jV: Graphic Viewer
万見 (Yorodumi)
Protein Globe
ASH
MAFFTash
SEALA
NMR
Structure Prediction >>
Spanner
SFAS

検索条件

詳細検索:
公開日: 2000-01-01 以降
キーワードの追加: 表示順: 公開日の新しい順

1 - 16 / 76309

4bch 分子名称 : CYCLIN-DEPENDENT KINASE 9 (E.C.2.7.11.22, 2.7.11.23), CYCLIN-T1
タイトル : Structure of CDK9 in complex with cyclin T and a 2-amino-4-heteroaryl-pyrimidine inhibitor
著者 : Hole, A.J., Baumli, S., Wang, S., Endicott, J.A., Noble, M.E.M.

4ah6 分子名称 : ASPARTATE--TRNA LIGASE, MITOCHONDRIAL (E.C.6.1.1.12)
タイトル : Human mitochondrial aspartyl-tRNA synthetase

「2000年1月1日以降に公開されたエントリー」
は76309件(2013/01/10現在)

解答例6

The screenshot shows the PDBj Mine search interface. A red box highlights the search criteria: "公開日: 以前: 12月 31 1999". A red arrow points from this box to the "検索" (Search) button. The page also includes a sidebar with navigation links, a header with the PDBj Mine logo, and a footer with a list of search results.

解答例6

データ登録 >>

ADIT: PDB Deposition

ADIT-NMR

検索 >>

Search PDB (PDBj Mine)

wwPDB/Research Collaboratory for Bioinformatics

Latest Release

Sequence-Navigator

Structure-Navigator

SeSAW

Ligand Binding Sites (GIRAF)

EM Navigator

Search NMR Data (BMRB)

Status Search

サービス&ソフトウェア >>

jV: Graphic Viewer

万見 (Yorodumi)

Protein Globe

ASH

MAFFTash

SEALA

NMR Data Bank

Structure Prediction >>

Protein Structure Prediction

Spanner

SFAS

BMRB、および欧州PDBと協力して、生物分子の立体構造データベースを国際的に統一化されたPDBアーカイブとして運営するとともに、様々な解析ツールを提供しております。

PDBj Mine

検索結果ページ

日本語ページについて
PDBj Mineについて
更新情報

(PDB-IDをクリックすると、詳細情報をご覧いただけます)

検索条件

1 2 3 4 5 6 ... 686 次へ

詳細検索:
公開日: 1999-12-31 以前

キーワードの追加:

表示順: 一致件数

リセット 検索

詳細検索ページへ戻る

1 - 16 / 10970

1d6n 分子名称 : PROTEIN (HYPOXANTHINE-GUANINE PHOSPHORIBOSYLTRANSFERASE) (2.4.2.8) MUTANT (K68A)

タイトル : TERNARY COMPLEX STRUCTURE OF HUMAN HGPRTASE, PRPP, MG2+, AND THE INHIBITOR HPP REVEALS THE INVOLVEMENT OF THE FLEXIBLE LOOP IN SUBSTRATE BINDING

登録日: 1999-10-14

公開日: 1999-12-30

最終更新日: 2009-02-24

「1999年12月31日以前に公開されたエントリー」
は10970件(2013/01/10現在)

演習課題7

詳細検索 (Advanced Search) を用いて、引用文献に関して調べてみる。

- 「Walker, J.E.」を著者に含むエントリーは何件あるか？
- ヒットしたものの中には、一見して「Walker, J.E.」を含まないように見えるものもある。なぜか？
- 「Primary」(引用文献) ボタンをチェックして、同じ検索を試みる。結果はどう変わるか？
- 雑誌「Nature」に掲載されたエントリーは何件あるか？
- 雑誌「Science」に2005年に掲載されたエントリーはいくつあるか？

ヒント: audit_author, citation, citation_author

解答例7

English Japanese simplified Chinese traditional Chinese Korean 過去の講習会 統計情報 ヘルプ FAQ お問い合わせ

トップページ

データ登録 >>
ADIT: PDB Deposition
ADIT-NMR

検索 >>
Search PDB (PDBj Mine)
wwPDB/RDF
Latest Release Search
Sequence-Navigator
Structure-Navigator
SeSAW
Ligand Binding Sites (GIRAF)
EM Navigator
Search NMR Data (BMRB)
Status Search

サービス&ソフトウェア >>
jV: Graphic Viewer
万見 (Yorodumi)
Protein Globe
ASH
MAFFTash
SIEALA
NMR
Structure Prediction >>
ORF
SAS
SFAS

二次データベース >>

日本蛋白質構造データバンク (PDBj: Protein Data Bank Japan) は、JST-NBDCと大阪大学の支援を受け、米国RCSB、BMRB、および欧州PDBと協力して、生体高分子の立体構造データベースを国際的に統一化されたPDBアーカイブとして運営するとともに、様々な解析ツールを提供しております。

データ登録

データ登録のご案内 >>

PDB登録 AP! Auto Dep Input Tool NMRデータ登録 AP! NMR

検索

PDB検索 Mine PDBj Mine日本語ページについて

NMRデータ検索 BMRB

検索タイプ: PDB IDまたはキーワード, PDB IDまたはキーワード配列, 著者名, EMD ID

検索タイプ: Accession number, Deposition code

検索

Go

87524 entries available on 16 Jan., 2013 00:00(UTC) / 09:00(JST)

WORLDWIDE PDB PROTEIN DATA BANK

蛋白質構造百科事典 eProtS Encyclopedia of Protein Structures

Protein Globe

NCBI Database Center for Life Science

Tanpak.org

NBDC National Bioscience Database Center

2012/12/27 平成24年度第2回データベース講習会 (12月28日開催 産総研主催) における発表内容を掲載します。

トップページ中央にある検索タイプで「著者名」を選び、
入力ボックスに「Walker, J.E.」と入力して「検索」をクリック

解答例7

日本蛋白質構造データバンク (PDBj: Protein Data Bank Japan)は、JST-NBDCと大阪大学の支援を受け、米国RCSB、BMRB、および欧州PDBと協力して、生体高分子の立体構造データベースを国際的に統一化されたPDBアーカイブとして運営するとともに、様々な解析ツールを提供しております。

検索結果ページ
(PDB-IDをクリックすると、詳細情報をご覧いただけます)

日本語ページについて
PDBj Mineについて
更新情報

検索条件

クエリ: Walker, J.E. 著者名 キーワードの追加: 表示順: 公開日の新しい順

1 - 16/ 40

4asu 分子名称 : ATP SYNTHASE SUBUNIT ALPHA, MITOCHONDRIAL, ATP SYNTHASE SUBUNIT BETA, MITOCHONDRIAL (E.C.3.6.3.14), ATP SYNTHASE SUBUNIT GAMMA, MITOCHONDRIAL, ATP SYNTHASE SUBUNIT DELTA, MITOCHONDRIAL, ATP SYNTHASE SUBUNIT EPSILON, MITOCHONDRIAL

タイトル : F1-ATPase in which all three catalytic sites contain bound nucleotide, with magnesium ion released in the Empty site

著者 : Rees, D.M., Montgomery, M.G., Leslie, A.G.W., Walker, J.E.

実験手法 : X-RAY DIFFRACTION

登録日 : 2012-05-03

公開日 : 2012-06-27

電子密度マップ (EDM)

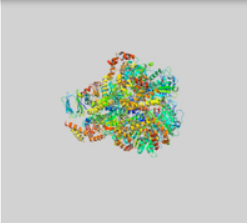
「構造の著者(登録者)」または「文献著者」に「Walker, J.E.」を含むエントリーは40件(2013/01/22現在)

二次データベース >>

解答例7

構造の著者(登録者)にも引用文献にも「Walker, J.E.」が見当たらないエントリーもある(例: 3zry)
→引用文献には「primary」(一次引用文献、PDBエントリーに関する事項が直接掲載されている文献)のみ表示。

Sequence Navigator
Structure-Navigator
SeSAW
Ligand Binding Sites (GIRAF)
EM Navigator
Search NMR Data (BMRB)
Jvarkit
Protein Explorer
CRNPRED
Spanner
SFAS
二次データベース >>
eF-site/eF-seek/eF-surf
ProMode Elastic
教材 >>
eProtS
今月の分子
万見ブライム
過去の講習会
ダウンロード >>
PDB Archive/Snapshot Archive
リンク集

<非対称単位>

3次元構造ビューア (jv4) で見る *1

エントリーID (PDB ID)	3zry 配列情報 (FASTA形式) PDBファイルのダウンロード
関連構造のPDB ID	2wpd, 2xok, 1oo1
機能のキーワード	ATP SYNTHASE SUBUNIT ALPHA, MITOCHONDRIAL, F1-ATPASE (E.C.3.6.3.14), ATP SYNTHASE SUBUNIT GAMMA, MITOCHONDRIAL, ATP SYNTHASE SUBUNIT DELTA, MITOCHONDRIAL (E.C.3.6.3.14), ATP SYNTHASE CATALYTIC SECTOR F1, MITOCHONDRIAL, F1-ATPASE, Rotor architecture in the F(1)-c(10)-ring complex of F1-ATP synthase, SYNTHASE, MITOCHONDRIA, MOLECULAR MOTOR, CENTRAL STALK, MEMBRANE PROTEIN, C-RING
由来する生物種	SACCHAROMYCES CEREVISIAE (BAKER'S YEAST)
細胞内の位置	[UNP - P07251] Mitochondrion inner membrane [UNP - P00830] Mitochondrion [UNP - P61829] Mitochondrion membrane; Multi-pass membrane protein (Potential)
ポリマー鎖の合計数	19
分子量の合計	450711.2 (詳細は 構造情報のページ)
著者	Giraud, M.-F., Dautant, A. (登録日: 2011-06-21, 公開日: 2012-01-18, 最終更新日: 2012-02-29)
引用文献	Giraud, M.-F., Paumard, P., Sanchez, C., Brethes, D., Velours, J., Dautant, A. Rotor Architecture in the Yeast and Bovine F(1)-C-Ring Complexes of F-ATP Synthase. <i>J. Struct. Biol.</i> , 177:490 -, 2012. (PubMed: 22119846) (DOI: 10.1016/J.JSB.2011.10.015)
実験手法	X-RAY DIFFRACTION (6.50[Å])

解答例7

```
- <PDBx:citation_author citation_id= 3 name= "Stock, D."
ordinal= "20">
- <PDBx:citation_author citation_id= "3" name= "Leslie, A.G.W."
ordinal= "21">
- <PDBx:citation_author citation_id= "3" name= "Walker, J.E."
ordinal= "22">
- <PDBx:citation_author citation_id= "4" name= "Kabaleeswaran,
V." ordinal= "23">
- <PDBx:citation_author citation_id= "4" name= "Puri, N."
ordinal= "24">
- <PDBx:citation_author citation_id= "4" name= "Walker, J.E."
ordinal= "25">
- <PDBx:citation_author citation_id= "4" name= "Leslie, A.G."
ordinal= "26">
- <PDBx:citation_author citation_id= "4" name= "Mueller, D.M."
ordinal= "27">
± <PDBx:computingCategory>
± <PDBx:database_2Category>
± <PDBx:database_PDB_matrixCategory>
± <PDBx:database_PDB_revCategory>
± <PDBx:diffractionCategory>
± <PDBx:diffraction_data_to_dataCategory>
± <PDBx:diffraction_radiationCategory>
± <PDBx:diffraction_radiation_wavelengthCategory>
```

詳細検索の文献著者はPrimaryではない文献も検索対象となる(例: 3zry、id="4"の文献にWalker, J.E.がある)

解答例7

データ登録 >>
ADIT: PDB Deposition
ADIT-NMR

検索 >>
Search PDB (PDBj Mine)
wwPDB/RDF
Latest Release Search
Sequence-Navigator
Structure-Navigator
SeSAW
Ligand Binding Sites (GIRAF)
EM Navigator
Search NMR Data (BMRB)
Status Search

サービス&ソフトウェア
V-Graph Viewer
Protein Globe
ASH

PDBeと協力して、生体高分子の立体構造データベースを国際的に統一化されたPDBアーカイブとして運営するとともに、様々な解析ツールを提供しております。

Mine 詳細検索 [日本語ページについて](#) [PDBj Mineについて](#) [更新情報](#)

表示順 1ページの表示件数

PDB ID:

キーワード:

公開日: 月 日 年
以降: 以前:

登録日: 月 日 年
以降: 以前:

文献著者: Walker, J.E. と と

文献情報: 論文題名: 雑誌名:
発行年: 巻番号:

☐ 引用文献

含む 含まない 無視する

ポリペプチド(D体) ☐ ☐ ☐

多糖(L体) ☐ ☐ ☐

DNA/RNA 複合体 ☐ ☐ ☐

「引用文献」のチェックをONにして検索すると、idが「Primary」である文献のみが検索対象となる。

解答例7

Japanese 過去の講習会 統計情報 ヘルプ FAQ お問い合わせ

[トップページ](#)

データ登録 >>

ADIT: PDB Deposition
ADIT-NMR

検索 >>

Search PDB
wwPDB/RD
Latest Release Search
Sequence-Navigator
Structure-Navigator
SeSAW
Ligand Binding Sites (GIRAF)
EM Navigator
Search NMR Data (BMRB)
Status Search

サービス&ソフトウェア >>

JV: Graphic Viewer
万見 (Yorodumi)
Protein Globe
ASH
MAFFTash
SEALA
NMToch
Structure Navigator
COMBES
SFAS

検索条件

検索結果ページ

(PDB-IDをクリックすると、詳細情報をご覧いただけます)

日本語ページについて
PDBj Mineについて
更新情報

1 2 3 次

詳細検索:
文献著者1: Walker, J.E.

キーワードの追加:

表示順: 一致件数

リセット 検索

詳細検索ページへ戻る

4asu 分子名称 : ATP SYNTHASE SUBUNIT ALPHA, MITOCHONDRIAL, ATP SYNTHASE SUBUNIT BETA, MITOCHONDRIAL (E.C.3.6.3.14), ATP SYNTHASE SUBUNIT GAMMA, MITOCHONDRIAL, ATP SYNTHASE SUBUNIT DELTA, MITOCHONDRIAL, ATP SYNTHASE SUBUNIT EPSILON, MITOCHONDRIAL

タイトル : F1-ATPase in which all three catalytic sites contain bound nucleotide, with magnesium ion released in the E₁ state

著者 : Walker, J.E., Leslie, A.G.W., Walker, J.E.

実験手法 : X-RAY DIFFRACTION

登録日 : 2012-05-03

公開日 : 2012-06-27

最終更新日 : 2012-07-25

1 - 16 / 35

「引用文献著者に『Walker, J.E.』を含むエントリー」
は35件(2013/01/22現在)

二次データベース >>

解答例7

English Japanese 過去の講習会 統計情報 ヘルプ FAQ お問い合わせ

トップページ

データ登録 >>

ADIT: PDB Deposition

ADIT-NMR

検索 >>

Search PDB (PDBj Mine)

wwPDB/RDF

Latest Release Search

Sequence-Navigator

Structure-Navigator

SeSAW

Ligand Binding Sites (GIRAF)

EM Navigator

Search NMR Data (BMRB)

Status Search

サービス&ソフトウェア >>

JV: Graphic Viewer

万見 (Yorodumi)

Protein Globe

ASH

MAFFTash

SEALA

NM/TorX

Structure Prediction

CINFEED

Spark

SEAS

二次データベース >>

日本語ページについて
PDBj Mineについて
更新情報

詳細検索

表示順 公開日の新しい順 1ページの表示件数 16 リセット 検索

PDB ID:

キーワード:

公開日: 月 日 年 以降: 月 日 年 以前: 月 日 年

登録日: 月 日 年 以降: 月 日 年 以前: 月 日 年

文献著者: と と ☐ 引用文献

文献情報: 論文題名: 雑誌名: 巻番号:

発行年:

含む 含まない 無視する

ポリペプチド(D体) ☐ ☐ ☒

ポリペプチド(L体) ☐ ☐ ☐

ポリデオキシリボヌクレオチド(DNA) ☐ ☐ ☐

ポリリボヌクレオチド(RNA) ☐ ☐ ☐

多糖(L体) ☐ ☐ ☐

DNA/RNA 複合体 ☐ ☐ ☒

「文献情報:」の「雑誌名:」に「Nature」と入力して「検索」をクリック

解答例7

Japanese 過去の講習会 統計情報 ヘルプ FAQ お問い合わせ

[トップページ](#)

データ登録 >>

ADIT: PDB Deposition
ADIT-NMR

検索 >>

Search PDB
wwPDB/RDF
Latest Release Search
Sequence-Navigator
Structure-Navigator
SeSAW
Ligand Binding Sites (GIRAF)
EM Navigator
Search NMR Data (BMRB)
Status Search

サービス&ソフトウェア >>

JV: Graphic Viewer
万見 (Yorodumi)
Protein Globe
ASH
MAFFTash
SEALA
NMTox
Structure
CAMBER
S
SFAS

二次データベース >>

検索条件

詳細検索:
文献情報(雑誌名): Nature
キーワードの追加: 表示順: 一致件数

リセット 検索

[詳細検索ページに戻る](#)

1 - 16 / 3682

1 2 3 4 5 6 ... 231 次へ

3vr5 分子名称 : V-type sodium ATPase catalytic subunit A (E.C.3.6.3.15), V-type sodium ATPase subunit B (E.C.3.6.3.14), V-type sodium ATPase subunit D (E.C.3.6.3.14), V-type sodium ATPase subunit G (E.C.3.6.3.14)

タイトル : Crystal structure of nucleotide-free Enterococcus hirae V1-ATPase [eV1(L)]

著者 : Saijo, S., Arai, S., Suzuki, K., Mizutani, K., Kakinuma, Y., Ishizuka-Katsura, Y., Ohsawa, N., Terada, T., Shiozaki, Y., Yokoyama, S., Wata, S., Yamato, I., Murata, T.

登録日 : 2012-04-03

3vr4 分子名称 : V-type sodium ATPase catalytic subunit A (E.C.3.6.3.15), V-type sodium ATPase subunit B (E.C.3.6.3.14), V-type sodium ATPase subunit D (E.C.3.6.3.14), V-type sodium ATPase

**「文献の雑誌名が『Nature』であるエントリー」
は3682件(2013/01/22現在)」**

解答例7

English Japanese 過去の講習会 統計情報 ヘルプ FAQ お問い合わせ

トップページ

データ登録 >>

ADIT: PDB Deposition

ADIT-NMR

検索 >>

Search PDB (PDBj Mine)

wwPDB/RDF

Latest Release Search

Sequence-Navigator

Structure-Navigator

SeSAW

Ligand Binding Sites (GIRAF)

EM Navigator

Search NMR Data (BMRB)

Status Search

サービス&ソフトウェア >>

JV: Graphic Viewer

万見 (Yorodumi)

Protein Globe

ASH

MAFFTash

SEALA

NMR-TORUS

Structure Navigator

Chimera

Space

SFAS

二次データ

日本語ページについて
PDBj Mineについて
更新情報

日本蛋白質構造データバンク (PDBj: Protein Data Bank Japan)は、JST-NBDCと大阪大学の支援を受け、米国RCSB、BMRB、および欧州PDBと協力して、生体高分子の立体構造データベースを国際的に統一化されたPDBアーカイブとして運営するとともに、様々な解析ツールを提供しております。

Mine 詳細検索

表示順 公開日の新しい順 1ページの表示件数 16 リセット 検索

PDB ID:

キーワード:

公開日: 月 日 年
以降:

登録日: 月 日 年
以降:

以前:

以前:

文献著者: と ☐ 引用文献

論文題名:

文献情報: 発行年: 2005

雑誌名: Science

巻番号:

含む 含まない 無視する

ポリペプチド(D体) ☐ ☐ ☒

ポリペプチド(L体) ☐ ☐ ☐

ポリデオキシリボヌクレオチド(DNA) ☐ ☐ ☐

ポリリボヌクレオチド(RNA) ☐ ☐ ☐

多量(L体) ☐ ☐ ☐

DRNA 複合体 ☐ ☐ ☐

含まれるポリマー鎖の種類: ☐ ☐ ☐

「文献情報:」の
「雑誌名:」に「Science」、「発行年:」に「2005」
と入力して「検索」をクリック

解答例7

Japanese 過去の講習会 統計情報 ヘルプ FAQ お問い合わせ

[トップページ](#)

データ登録 >>

ADIT: PDB Deposition

ADIT-NMR

検索 >>

Search PDB

wwPDB/RDF

Latest Release Search

Sequence-Navigator

Structure-Navigator

SeSAW

Ligand Binding Sites (GIRAF)

EM Navigator

Search NMR Data (BMRB)

Status Search

サービス&ソフトウェア >>

JV: Graphic Viewer

万見 (Yorodumi)

Protein Globe

ASH

MAFFTash

SEALA

NMTo

Structure

CRMPRED

Spinner

SFAS

二次データベース >>

日本蛋白質構造データバンク (PDBj: Protein Data Bank Japan)は、JST-NBDCと大阪大学の支援を受け、米国RCSB、BMRB、および欧州PDBと協力して、生体高分子の立体構造データベースを国際的に統一化されたPDBアーカイブとして運営するとともに、様々な解析ツールを提供しております。

検索結果ページ

日本語ページについて
PDBj Mineについて
更新情報

検索条件

(PDB-IDをクリックすると、詳細情報をご覧いただけます)

1 2 3 4 5 6 次へ

詳細検索:
文献情報(雑誌名): Science
文献情報(発行年): 2005

キーワードの追加:

表示順: 公開日の新しい順

リセット 検索

詳細検索ページへ戻る

2wpd 分子名称 : ATP SYNTHASE SUBUNIT ALPHA, MITOCHONDRIAL, ATP SYNTHASE SUBUNIT BETA, MITOCHONDRIAL (E.C.3.6.3.14), ATP SYNTHASE SUBUNIT GAMMA, MITOCHONDRIAL, ATP SYNTHASE SUBUNIT DELTA, MITOCHONDRIAL, ATP SYNTHASE SUBUNIT EPSILON, MITOCHONDRIAL, ATP SYNTHASE SUBUNIT 9, MITOCHONDRIAL (E.C.3.6.3.14)

著者 : Dautan, A., Velours, J., Giraud, M.-F.

公開日 : 2010-07-07

最終更新日 : 2011-04-06

「文献の雑誌名が『Science』、発行年が2005年であるエントリー」は90件(2013/01/22現在)

1 - 16/ 90

演習課題8

詳細検索 (Advanced Search) を用いて、以下のことを調べる。

- 「polypeptide(L)」(通常の蛋白質)を含むエントリーは何件あるか？
- 「polypeptide(D)」のみを含むエントリーを検索するにはどうすればよいか？
- 蛋白質とDNAの複合体を検索するにはどうすればよいか？
- 蛋白質、DNA、RNAを含むエントリーは何件あるか？
- RNAと「polysaccharide(D)」の両方を含むエントリーはあるか？
- その他色々な組み合わせを試してみる。

ヒント: entity_poly, entity

解答例8

Search PDB (PDBj Mine)
wwPDB/RDF
Latest Release Search
Sequence-Navigator
Structure-Navigator
SeSAW
Ligand Binding Sites (GIRAF)
EM Navigator
Search NMR Data (BMRB)
Status Search

サービス&ソフトウェア >>
jV: Graphic Viewer
万見 (Yorodumi)
Protein Globe
ASH
MAFFTash
SEALA
NMRTToolBox

Structure Prediction >>
CRNPRED
Spanner
SFAS

二次データベース >>
eF-site/eF-seek/eF-surf
PDB Archive/Snapshot Archive

表示順: 公開日の新しい順 1ページの表示件数: 16 リセット 検索

PDB ID:
キーワード:

公開日: 月 日 年
以降: 以前:

登録日: 月 日 年
以降: 以前:

文献著者: と と ☐ 引用文献

文献情報: 論文題名: 雑誌名:
発行年: 巻番号:

含まれるポリマー鎖の種類:

	含む	含まない	無視する
ポリペプチド(D体)	☐	☐	☒
ポリペプチド(L体)	☒	☐	☐
ポリデオキシリボヌクレオチド(DNA)	☐	☐	☒
ポリリボヌクレオチド(RNA)	☐	☐	☒
多糖(D体)	☐	☐	☒
多糖(L体)	☐	☐	☒
DNA/RNA 複合体	☐	☐	☒
環状経路ペプチド	☐	☐	☒

「含まれるポリマー鎖の種類:」の「ポリペプチド(L体)」で「含む」を選択して「検索」をクリック
(他の種類のポリマーは含まれていても含まれていなくてもよい)

解答例8

Japanese 過去の講習会 統計情報 ヘルプ FAQ お問い合わせ

[トップページ](#)

データ登録 >>

ADIT: PDB Deposition

ADIT-NMR

検索 >>

Search PDB

wwPDB/RDF

Latest Release Search

Sequence-Navigator

Structure-Navigator

SeSAW

Ligand Binding Sites (GIRAF)

EM Navigator

Search NMR Data (BMRB)

Status Search

サービス&ソフトウェア >>

JV: Graphic Viewer

万見 (Yorodumi)

Protein Globe

ASH

MAFFTash

SEALA

NMR-TOMO

Structure Prediction >>

CRYSOL

SPRINTS

SFAS

二次データベース >>

検索条件

検索結果ページ

(PDB-IDをクリックすると、詳細情報をご覧いただけます)

1 - 16 / 84990

1 2 3 4 5 6 ... 5312 次へ

詳細検索 :
含まれるポリマー鎖の種類(ポリペプチド(L体)) : 含む

キーワードの追加 : 表示順: 公開日の新しい順

リセット 検索

詳細検索ページへ戻る

4b4s

分子名称 : BCL-2-LIKE PROTEIN 10, BCL-2-LIKE PROTEIN 11

タイトル : Crystal Structure of a pro-survival Bcl-2:Bim BH3 complex

著者 : Rautureau, G.J.P., Hinds, M.G., Kvansakul, M.

実験手法 : X-RAY DIFFRACTION

登録日 : 2012-08-01

電子密度マップ (EDM)

分子名称 : Lysine-specific histone demethylase 1B (E.C.1.-.-.-), Putative oxidoreductase GLYR1 (E.C.1.-.-.-)

タイトル : Crystal structure of LSD2-NPAC

著者 : Chen, F., Deng, Z., Fang, L., Yang, Y., Li, Z., Yu, Y., Yang, H., Wang, B., Fang, B., Shi, Y., Yu

「L体ポリペプチドを含むエントリー」は84990件
(2013/01/22現在)

解答例8

検索 >> 更新情報

Search PDB (PDBj Mine)
 wwPDB/RDF
 Latest Release Search
 Sequence-Navigator
 Structure-Navigator
 SeSAW
 Ligand Binding Sites (GISA)
 EM Navigator
 Search NMR Data (BMRB)
 Status Search

サービス&ソフトウェア >>
 J/V: Graphic
 万見 (Yorod)

Protein Globe
 ASH
 MAFFTash
 SEALA
 NMRTToolBox

Structure Prediction >>
 CRNPRED
 Spanner
 SFAS

二次データベース >>
 eF-site/eF-seek/eF-surf
 ProMode Elastic

教材 >>
 eProtS
 今月の分子
 モデル

表示順: 公開日の新しい順 1ページの表示件数: 16 リセット 検索

PDB ID:
 キーワード:

「含まれるポリマー鎖の種類:」の
 「ポリペプチド(D体)」で「含む」
 その他は「含まない」を選択して「検索」をクリック

含まれるポリマー鎖の種類:

	含む	含まない	無視する
ポリペプチド(D体)	☒	☐	☐
ポリペプチド(L体)	☐	☒	☐
ポリデオキシリボヌクレオチド(DNA)	☐	☒	☐
ポリリボヌクレオチド(RNA)	☐	☒	☐
多糖(D体)	☐	☒	☐
多糖(L体)	☐	☒	☐
DNA/RNA 複合体	☐	☒	☐
環状疑似ペプチド	☐	☒	☐
その他	☐	☒	☐

化合物情報:
 エントリーのタイトル:
 外部データベース: ID:
 リガンドと補完分子施:

解答例8

Japanese 過去の講習会 統計情報 ヘルプ FAQ お問い合わせ

[トップページ](#)

データ登録 >>

ADIT: PDB Deposition

ADIT-NMR

検索 >>

Search PDB

wwPDB/RDF

Latest Release Search

Sequence-Navigator

Structure-Navigator

SeSAW

Ligand Binding Sites (GIRAF)

EM Navigator

Search NMR Data (BMRB)

Status Search

サービス&ソフトウェア >>

JV: Graphic Viewer

万見 (Yorodumi)

Protein Globe

ASH

MAFFTash

SEALA

NMTo

Structure Prediction >>

CMRPP

Crystal structure of the mirror image form of VEGF-A

SFAS

二次データベース >>

日本語ページについて
PDBj Mineについて
更新情報

検索条件

検索結果ページ

(PDB-IDをクリックすると、詳細情報をご覧いただけます)

1 2 次へ

1 - 16/ 18

詳細検索:

- 含まれるポリマー鎖の種類(ポリペプチド(D体)): 含む
- 含まれるポリマー鎖の種類(ポリペプチド(L体)): 含まない
- 含まれるポリマー鎖の種類(ポリデオキシリボヌクレオチド(DNA)): 含まない
- 含まれるポリマー鎖の種類(ポリリボヌクレオチド(RNA)): 含まない
- 含まれるポリマー鎖の種類(多糖(D体)): 含まない
- 含まれるポリマー鎖の種類(多糖(L体)): 含まない
- 含まれるポリマー鎖の種類(DNA/RNA 複合体): 含まない
- 含まれるポリマー鎖の種類(環状疑似ペプチド): 含まない
- 含まれるポリマー鎖の種類(その他): 含まない

キーワードの追加: 表示順: 一致件数

「ポリマー鎖としてD体ポリペプチドのみを含むエントリー」
は18件(2013/01/22現在)

著者: Mandal, K., Uppalapati, M., Ault-Riche, D., Kenney, J., Lowitz, J., Sidhu, S., Kent, S.B.H.

実験手法: X-RAY DIFFRACTION

解答例8

検索 >> 更新情報

Search PDB (PDBj Mine)
wwPDB/RDF
Latest Release Search
Sequence-Navigator
Structure-Navigator
EM Navigator
MolProbity Sites (GIRAF)
MolProbity Data (GIRAF)
Status Search
PDBj: Graphic Viewer

表示順 1ページの表示件数 16

PDB ID:

キーワード:

公開日: 月 日 年 月 日 年
以前: 以降:

登録日: 月 日 年
以前: 以降:

文献著者: と と ☐ 引用文献

文献情報: 論文題名: 雑誌名:
発行年: 巻番号:

	含む	含まない	無視する
ポリペプチド(D体)	☐	☐	☒
ポリペプチド(L体)	☒	☐	☐
ポリデオキシリボヌクレオチド(DNA)	☒	☐	☐
ポリリボヌクレオチド(RNA)	☐	☐	☒
含まれるポリマー鎖の種類:			
多糖(D体)	☐	☐	☒
多糖(L体)	☐	☐	☒
DNA/RNA 複合体	☐	☐	☒
環状疑似ペプチド	☐	☐	☒
その他	☐	☐	☒

化合物情報:

エントリーのタイトル:

外部データベース: ID:

リガンドと補完分子施:

二次データベース >>
eF-site/eF-seek/eF-surf
ProMode Elastic

教材 >>
eProtS
今月の分子
モロイニノ

蛋白質 + DNA =
「ポリペプチド(L体)」と「ポリデオキシリボヌクレオチド(DNA)」
の両方を「含む」

解答例8

Japanese 過去の講習会 統計情報 ヘルプ FAQ お問い合わせ

[トップページ](#)

データ登録 >>

ADIT: PDB Deposition
ADIT-NMR

検索 >>

Search PDB
wwPDB/RDF
Latest Release Search
Sequence-Navigator
Structure-Navigator
SeSAW
Ligand Binding Sites (GIRAF)
EM Navigator
Search NMR Data (BMRB)
Status Search

サービス&ソフトウェア >>

JV: Graphic Viewer
万見 (Yorodumi)
Protein Globe
ASH
MAFFTash
SLEALA
NMTC
Structure Navigator
CR
SP
SFAS

二次データベース >>

検索条件

検索結果ページ

(PDB-IDをクリックすると、詳細情報をご覧いただけます)

1 - 16 / 2659

1 2 3 4 5 6 ... 167

詳細検索:
含まれるポリマー鎖の種類(ポリペプチド(L体)): 含む
含まれるポリマー鎖の種類(ポリデオキシリボヌクレオチド(DNA)): 含む

キーワードの追加: 表示順: 公開日の新しい順

リセット 検索

詳細検索ページへ戻る

4gxl 分子名称 : DNA polymerase beta (E.C.2.7.7.7, 4.2.99.-)/DNA complex
タイトル : R283K DNA polymerase beta ternary complex with a templating 8OG and incoming dATP analog
著者 : Freudenthal, B.D., Beard, W.A., Wilson, S.H.
登録日 : 2012-09-07
公開日 : 2013-01-16

「蛋白質とDNAを含むエントリー」は2659件
(2013/01/22現在)

4b3q 分子名称 : REVERSE TRANSCRIPTASE/RIBONUCLEASE H (E.C.2.7.7.49, 2.7.7.7, 3.1.26.13, 3.1.13.2, 3.4.23.16). P51 RT

解答例8

検索 >> 更新情報

Search PDB (PDBj Mine)
wwPDB/RDF
Latest Release Search
Sequence-Navigator

表示順 公開日の新しい順 1ページの表示件数 16 リセット 検索

PDB ID:

キーワード:

公開日: 月 日 年 月 日 年
以前: 以降:

登録日: 月 日 年 月 日 年
以前: 以降:

と ☐ 引用文献

文献情報: 論文題名: 雑誌名:
発行年: 巻番号:

含まれるポリマー鎖の種類:

	含む	含まない	無視する
ポリペプチド(D体)	☐	☐	☒
ポリペプチド(L体)	☒	☐	☐
ポリデオキシリボヌクレオチド(DNA)	☒	☐	☐
ポリリボヌクレオチド(RNA)	☒	☐	☐
多糖(D体)	☐	☐	☒
多糖(L体)	☐	☐	☒
DNA/RNA 複合体	☐	☐	☒
環状疑似ペプチド	☐	☐	☒
その他	☐	☐	☒

化合物情報:

エントリーのタイトル:

外部データベース: ID:

リガンドと補佐分子施:

万見 (Yorodumi)
Protein Globe
ASH
MAFFTash
SEALA
NMRTToolBox
Structure Prediction >>
CRNPRED
Spanner
SFAS
二次データベース >>
eF-site/eF-seek/eF-surf
ProMode Elastic
教材 >>
eProtS
今月の分子
モロイニノ

解答例8

Japanese 過去の講習会 統計情報 ヘルプ FAQ お問い合わせ

[トップページ](#)

データ登録 >>

ADIT: PDB Deposition

ADIT-NMR

検索 >>

Search PDB

wwPDB/RDF

Latest Release Search

Sequence-Navigator

Structure-Navigator

SeSAW

Ligand Binding Sites (GIRAF)

EM Navigator

Search NMR Data (BMRB)

Status Search

サービス&ソフトウェア >>

JV: Graphic Viewer

万見 (Yorodumi)

Protein Globe

ASH

MAFFTash

SEALA

NMR

Structure

CR

SP

SFAS

二次データベース >>

日本蛋白質構造データバンク (PDBj: Protein Data Bank Japan)は、JST-NBDCと大阪大学の支援を受け、米国RCSB、BMRB、および欧州PDBと協力して、生体高分子の立体構造データベースを国際的に統一化されたPDBアーカイブとして運営するとともに、様々な解析ツールを提供しております。

検索条件

検索結果ページ

(PDB-IDをクリックすると、詳細情報をご覧いただけます)

1 - 16/ 110

1 2 3 4 5 6 7 次へ

詳細検索:

含まれるポリマー鎖の種類(ポリペプチド(L体)): 含む

含まれるポリマー鎖の種類(ポリデオキシリボヌクレオチド(DNA)): 含む

含まれるポリマー鎖の種類(ポリリボヌクレオチド(RNA)): 含む

キーワードの追加:

表示順: 一致件数

リセット 検索

詳細検索ページへ戻る

4b3p 分子名称 : REVERSE TRANSCRIPTASE/RIBONUCLEASE H (E.C.2.7.7.49, 2.7.7.7, 3.1.26.13, 3.4.23.16, 3.1.13.2), P51 RT (E.C.2.7.7.49, 2.7.7.7, 3.1.26.13, 3.4.23.16)

タイトル : Structures of HIV-1 RT and RNA-DNA Complex Reveal a Unique RT Conformation and Substrate Interfacial Capabilities

実験手法 : X-RAY DIFFRACTION

登録日 : 2012-07-25

公開日 : 2013-01-16

「蛋白質、DNA、RNAの全てを含むエントリー」は110件
(2013/01/22現在)

4b3q 分子名称 : REVERSE TRANSCRIPTASE/RIBONUCLEASE H (E.C.2.7.7.49, 2.7.7.7, 3.1.26.13,

解答例8

検索 >> 更新情報

Search PDB (PDBj Mine)
wwPDB/RDF
Latest Release Search
Sequence-Navigator
Structure-Navigator
Ligand Binding Site (G-)
Status Search

サービス&ソフトウェア >>
J/V: Graphic Viewer
万見 (Yorodumi)
Protein Globe
ASH
MAFFTash
SEALA
NMRTToolBox
Structure Prediction >>
CRNPRED
Spanner
SFAS
二次データベース >>
eF-site/eF-seek/eF-surf
ProMode Elastic
教材 >>
eProtS
今月の分子
モロイニノ

表示順 1ページの表示件数

PDB ID:
キーワード:
公開日: 月 日 年
登録日: 月 日 年
以降: 以前:
文献著者: と と ☐ 引用文献
文献情報: 論文題名: 雑誌名:
発行年: 巻番号:

含まれるポリマー鎖の種類:

	含む	含まない	無視する
ポリペプチド(D体)	☐	☐	☒
ポリペプチド(L体)	☐	☐	☒
ポリデオキシリボヌクレオチド(DNA)	☐	☐	☒
ポリリボヌクレオチド(RNA)	☒	☐	☐
多糖(D体)	☒	☐	☐
多糖(L体)	☐	☐	☒
DNA/RNA 複合体	☐	☐	☒
環状疑似ペプチド	☐	☐	☒
その他	☐	☐	☒

化合物情報:
エントリーのタイトル:
外部データベース: ID:
リガンドと補完分子施:

RNA + 多糖(D体) =
「ポリリボヌクレオチド(RNA)」 「多糖(D体)」の両方を「含む」

解答例8

Japanese 過去の講習会 統計情報 ヘルプ FAQ お問い合わせ

トップページ 検索条件

データ登録 >>

ADIT: PDB Deposition
ADIT-NMR

検索 >>

Search PDB (PDBj Mine)
wwPDB/RF
Latest Release Search
Sequence-Navigator
Structure-Navigator
SeSAW
Ligand Binding Sites (GIRAF)
EM Navigator
Search NMR Data (BMRB)
Status Search

サービス&ソフトウェア >>

J/V: Graphic Viewer
万景 (Yorodumi)
Protein Data Bank
ASH
MAF-Tash
SEA
NMRToolBox
Structure
CRNPRED
Spanner
SFAS

日本語ページについて
PDBj Mineについて
更新情報

検索結果ページ

クエリ: [含まれるポリマー鎖の種類(ポリリボヌクレオチド(RNA)): 含む; 含まれるポリマー鎖の種類(多糖(D体)): 含む;]

一致するものはありません

[Mine トップページへ] [詳細検索ページへ]

「RNAと多糖(D体)の両方を含むエントリー」は0件
(2013/01/22現在)
※RNAと多糖(L体)でも0件

二次データベース >>